

COPASI

Complex Pathway Simulator



The model

The basics, classical biochemical model:

- The **compartments** have a **volume** and contain metabolites
- The **species** have a **concentration**
- **Reactions** consume and produce species and have a reaction **rate** (arbitrary kinetic functions)

Création d'un nouveau modèle

The screenshot shows the COPASI 4.16 software interface. The main window title is "COPASI 4.16 (Build 104)". The menu bar includes "File", "Tools", "Window", and "Help". A toolbar with various icons is visible. On the left, a sidebar titled "COPASI" shows a tree structure with "Model" selected, and other options like "Tasks", "Output Specifications", and "Functions (38)". The central window is titled "Concentrations" and contains a "Model" tab with "New Model" selected. The "Details" tab is active, showing settings for "Time Unit" (s), "Volume Unit" (ml), "Quantity Unit" (mmol), a checked checkbox for "Apply Stochastic Correction to Rate Laws", and an "Initial Time (s)" field set to 0. Below this is a large empty text area labeled "Time (s) nan". At the bottom of the dialog are "Commit" and "Revert" buttons. A black arrow points from the text "Donner un nom" to the "Model" tab. Another black arrow points from the text "Enregistre les modifications" to the "Commit" button.

Donner un nom

Changer les unités :

- Time en minute
- Quantité en mol
- Volume en litre
- Décocher Apply stochastic ..

Enregistre les modifications

Création d'un nouveau modèle

Aller dans Model puis Biochemical

- Compartiment : créer au moins un compartiment appelé cell (ne rien changer d'autre)
- Réactions :
 - Donner un nom à la réaction (ex synth_basal_Lacl)
 - Décrire la réaction chimique
 - ✓ $X \rightarrow Y$: réaction irréversible; $X = Y$: réaction réversible
 - ✓ Séparer tous les substrats et produits par + en faisant attention de mettre des espaces avant et après le +, sinon pris comme faisant partie du nom du substrat.
 - ✓ Si la réaction implique des « modificateurs » comme activateur, inhibiteur, à la fin de la réaction utiliser ; suivi de la liste de « modificateurs » ex : $A + B \rightarrow C ; D$
 - ✓ La liste des substrats ou des produits peut être vide mais au moins une des deux doit être présente.

Exemples de réactions

1	Pre_CSP_synt	\rightarrow Pre_CSP; ComE ComE_P
2	ComD_synt	\rightarrow ComD; ComE ComE_P
3	ComE_synt	\rightarrow ComE; ComE ComE_P
4	Pre_CSP_dec	Pre_CSP \rightarrow
5	ComD_dec	ComD \rightarrow
6	ComE_dec	ComE \rightarrow
7	CSP_exp	Pre_CSP \rightarrow CSP; ComAB
8	CSP_dec	CSP \rightarrow
9	ComD_ass	$2 * \text{ComD} \rightarrow \text{ComD_dim}$
10	ComD_diss	$\text{ComD_dim} \rightarrow 2 * \text{ComD}$
11	ComD_auto_act	$\text{ComD_dim} \rightarrow \text{ComD_act}$
12	ComD_pho	$\text{CSP} + \text{ComD_dim} \rightarrow \text{ComD_act}$
13	transpho	$\text{ComD_act} + 2 * \text{ComE} \rightarrow \text{ComD_used} + \text{ComE_P}$

Création d'un nouveau modèle

- Species : les espèces sont créées automatiquement quand on rentre les réactions. On peut cependant les modifier si besoin.
- Création des rates laws (réactions biochimiques). Si la réaction n'est pas dans la liste des fonctions (Functions) il faut la créer

Function function_1

Details Notes Annotation RDF Browser

Formula

$$(\text{beta_ComCDE} + \text{vmax_ComCDE} * \text{ComE_P} / (\text{ComE_P} + \text{k_ComCDE_EP} * (1 + \text{ComE}^\text{e} / \text{k_ComCDE_E}^\text{e}))) / \text{cell}$$

Function Type reversible irreversible general

Parameters

Name	Description	Unit
------	-------------	------

Application Restrictions None

→ Donner un nom :
Function for Pre_CSP_synt

Ecrire la formule de l'équation (si la formule est bonne, le fond devient mauve)

Création d'un nouveau modèle

Formula

$$\text{beta_ComCDE} + \frac{\text{vmax_ComCDE} \cdot \text{ComE_P}}{\text{ComE_P} + k_{\text{ComCDE_EP}} \cdot \left(1 + \frac{\text{ComE}^e}{k_{\text{ComCDE_E}}^e} \right)}$$

cell

Function Type reversible irreversible general

Parameters

Name	Description	Unit
ComE	Modifier	mol/l
ComE_P	Modifier	mol/l or mol/l
beta_ComCDE	Parameter	mol/min or ?
cell	Volume	l or ?
e	Parameter	1
k_ComCDE_E	Parameter	?
k_ComCDE_EP	Parameter	mol/l

Application
Restrictions Only irreversible reactions, No substrate

Possibilité de visionner la formule sous forme mathématique

Création de la fenêtre paramètre :
Choisir la nature du paramètre

Commit pour enregistrer

Cliquer sur la réaction et associer la nouvelle « rate law » créée à la réaction

Création d'un nouveau modèle

- Création des paramètres : Aller dans Global Quantities
 - ✓ Créer chacun des paramètres
 - ✓ Pour chaque réaction faire le lien entre le nom des variables de la « rate law » et le nom des variables du modèle

Reaction Pre_CSP_synt

Details Notes Annotation RDF Browser

Reaction \rightarrow Pre_CSP; ComE ComE_P

Reversible Multi Compartment

Rate Law Function for Pre_CSP_synt

Rate Law Unit Default mol/min mol/(min*) cell

Role	Name	Mapping	Value	Unit
Modifier	ComE	ComE		mol/l
Modifier	ComE_P	ComE_P		mol/l
Parameter	beta_ComCDE	beta_ComCDE	0.1	mol/min
Volume	cell	cell		l
Parameter	e	e	2	1
Parameter	k_ComCDE_E	k_ComCDE_E	1	?
Parameter	k_ComCDE_EP	k_ComCDE_EP	1	⚠ mol/l
Parameter	vmax_ComCDE	vmax_ComCDE	1	mol/min

Nom dans la rate law Nom dans le modèle

Création d'un nouveau modèle

- Création d'un évènement (event) : exemple ajouter du CSP dans le système après un temps de 58.2

Event **CSP_add**

Details Notes Annotation RDF Browser

Trigger Expression  

Fire at initial Time if Trigger true Trigger must remain true

Priority  

Delay **None**

Target **CSP**   

Expression  

Sélectionner le modèle Time puis écrire l'équation

Choisir la cible ici Species puis CSP

Ecrire l'expression de L'évènement

Estimation des paramètres

Parameter Estimation

Randomize Start Values Create Parameter Sets update model executable

Experimental Data Validation Data

Calculate Statistics

Parameters (0) Constraints (0)

Object

Lower Bound	<input type="checkbox"/> - Infinity	1e-06	
Upper Bound	<input type="checkbox"/> + Infinity	1e+06	
Start Value	<input type="text"/>		
Affected Experiments	<input checked="" type="checkbox"/> all		
Affected Validations	<input checked="" type="checkbox"/> all		

Duplicate for each Experiment

Method Evolutionary Programming

Parameter

Number of Generations	200
Population Size	20
Random Number Generator	1

Ajout des fichiers de résultats expérimentaux

Icône + puis ensuite icône Copasi pour choisir le nom du paramètre

Changer les bornes inférieure et supérieure en fonction des connaissances

Choisir une valeur initiale en choisissant random

Choisir la méthode d'estimation des paramètres et éventuellement modifier les valeurs des paramètres par défaut.

Estimation des paramètres

Randomize Start Values Create Parameter Sets Calculate Statistics

Parameters (56) Constraints (0)

4	1 ≤ Values[vmax_ComAB].InitialValue ≤ 2; Start Value = 1.99999954
5	7 ≤ Values[vmax_ComCDE].InitialValue ≤ 9; Start Value = 8.137427668
6	1e-04 ≤ Values[vmax_ComW].InitialValue ≤ 10000; Start Value = 309.6280911
7	1e-04 ≤ Values[vmax_ComX].InitialValue ≤ 10000; Start Value = 268.8814254
8	0 ≤ Values[vmax_DprA].InitialValue; {dprA last} ≤ 0; Start Value = 0
9	1e-04 ≤ Values[vmax_DprA].InitialValue; {WT last, clp Last} ≤ 10000; Start Value = 2106.13
10	1e-04 ≤ Values[vmax_SsbB].InitialValue ≤ 10000; Start Value = 2835.196238

Object: Values[vmax_DprA].InitialValue

Lower Bound: -Infinity Value: 1e-04

Upper Bound: +Infinity Value: 10000

Start Value: 2106.13

Affected Experiments: all WT last

Affected Validations: all

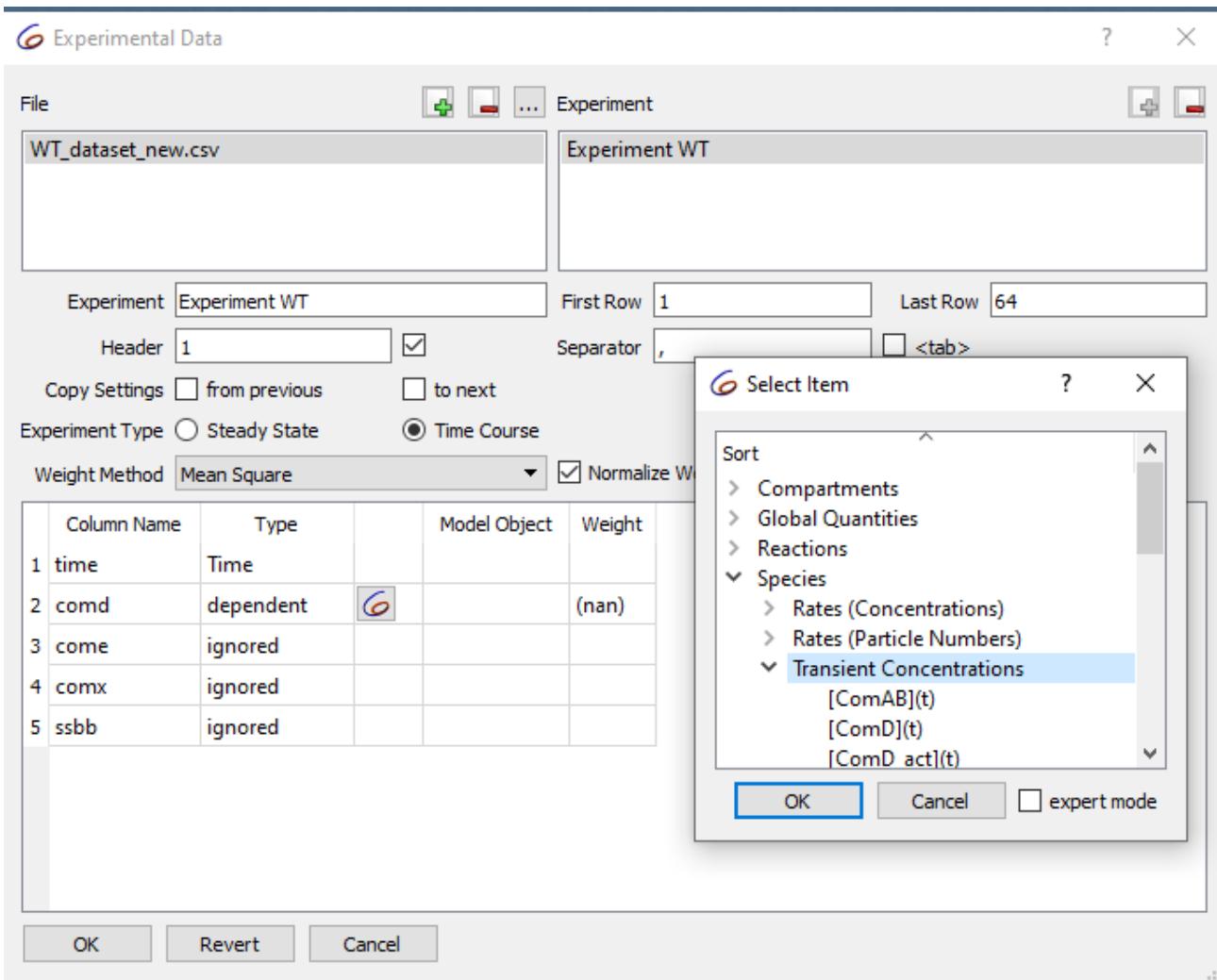
Duplicate for each Experiment

On peut ici modéliser des mutants : exemple mutant *dprA* :

Résultats expérimentaux WT (WT last) et mutant *clp* (clp last), DprA est synthétisé donc valeur de *vmax_DprA* n'est pas nulle et est estimée

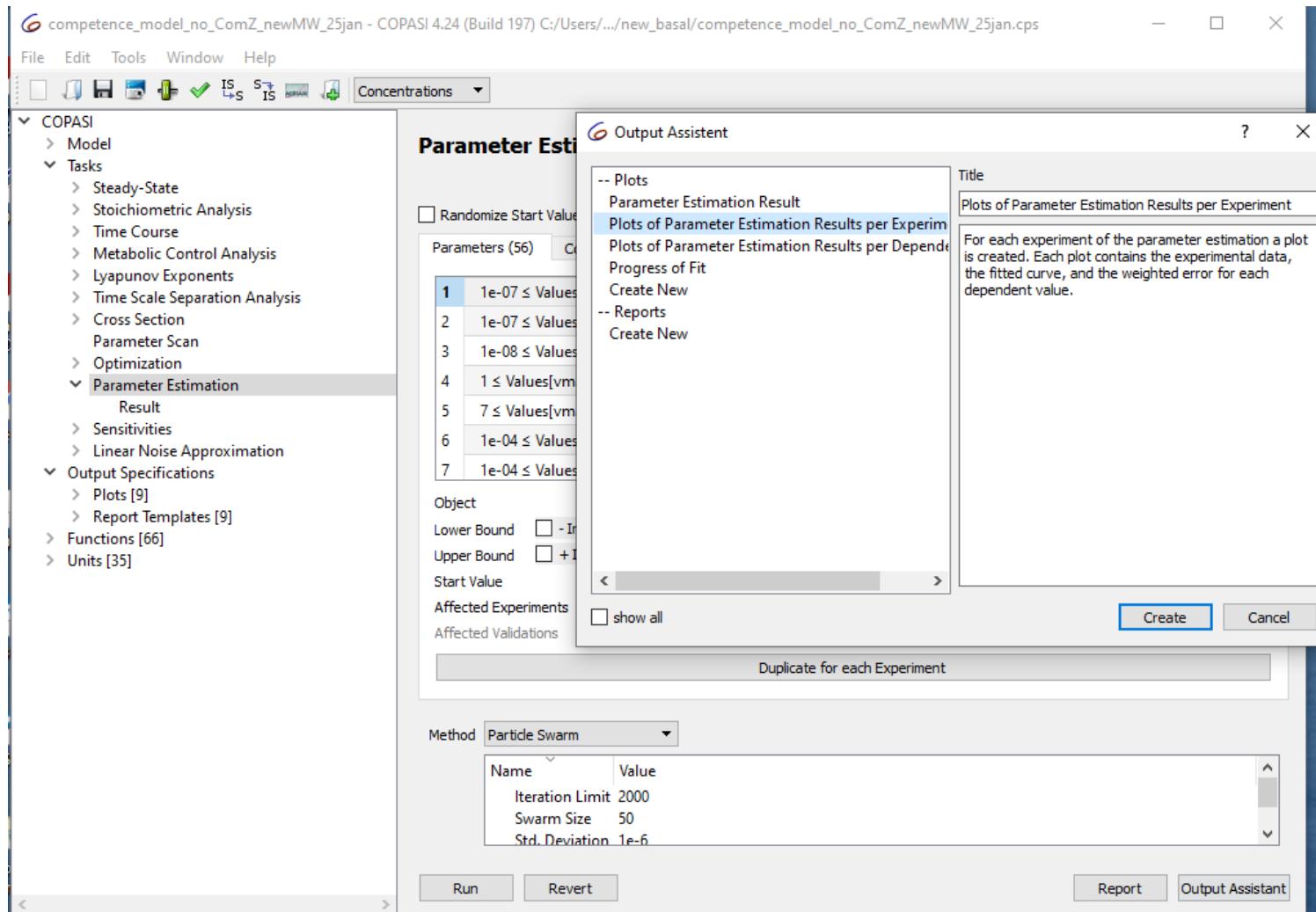
Résultats expérimentaux mutant *dprA* (dprA last) *vmax-DprA* est à 0. Pas de synthèse

Ajout des fichiers résultats expérimentaux



- Charger le fichier en utilisant l'icône +
- Donner un nom à l'expérience (experiment)
- Si le séparateur n'est pas la tabulation, décocher
- Choisir Time course
- Pour chaque variable choisir dependent
- Dans la fenêtre Select Item, choisir Species puis Transient Concentrations

Estimation des paramètres



Pour créer les fichiers de sortie qui contiendront les plots des valeurs simulées et expérimentales, choisir en utilisant Output Assistant **Plots of Parameter Estimation Results per Experiment** (d'où l'intérêt de donner un nom à l'expérience lors du chargement du fichier).

Il faut aussi créer un « **Report File** ». Si les résultats sont OK, sauvegarder. Par la suite pour réobtenir les mêmes plots, il faudra choisir « **Current Solution Statistics** »

Utilisation de R pour la simulation

- Charger la librairie *deSolve*
- Déclaration des variables avec leur concentrations initiales

```
state <- c(
    CSP      = 0.000999098177,
    ComAB    = 0.0001136000003,
    preCSP   = 0.99999999998,
    ComD     = 0.02747888943,
    ....,
    ComD_dim = 0.01402570547
)
```

- Déclaration des paramètres et de leurs valeurs

```
parameters_dprA <- c(
    betaCDE    = 9.999997904e-06,
    betaComAB  = 1.004322428e-07,
    ....,
    alpha_auto = 1e-06
)
```

- Ecrire les équations différentielles ordinaires

```
comp <-function(t, state, parameters) {
  with(as.list(c(state, parameters)), {
    dCSP= -2*(vmax_act*CSP/(CSP+k_act)*ComD_dim) +epsilon*ComAB*preCSP -
    degCSP*CSP
    dComAB=betaComAB+vmaxComAB*ComEP/(ComEP+kComAB_EP*(1+(ComE^e/kComAB_E^
    e))) -ComAB*degComAB
  })
}
```

Utilisation de R pour la simulation

- Déclarer le temps de simulation

```
times <- seq(0, 55)
```

- Réaliser la simulation

```
out_dprA <- ode(y = state, times = times, func = comp, parms =  
parameters_dprA, method = "lsoda")
```

- Plotter les résultats sauvegarder dans out_dprA en fonction du temps

- Charger le fichier des valeurs expérimentales et plotter ces valeurs sur le même plot que les valeurs simulées.

